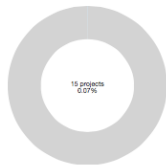


DBCLS SRA Metadata Search project: Soylatte

Requested filtering condition

Homo sapiens, Genome, Illumina MiSeq [view all](#)



Fulltext search

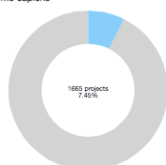
Search with this condition

[search](#)

For each condition:

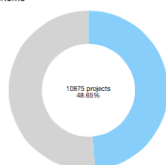
Sample Organism

Homo sapiens



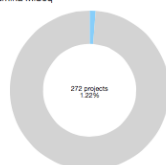
Study Type

Genome



Sequencing Platform

Illumina MiSeq



○ DBCLS SRA Metadata Search とは

公共データベースで公開されている次世代シーケンスデータを検索するウェブサイトです。絞り込み検索、キーワード検索によって必要なデータを見つけることができます。「鎖鋸」サービスを DBCLS SRA と連携させてリニューアルしました。

○ 特徴

- ・ 欲しいデータを絞り込む
次世代シーケンサから得られるデータのバリエーションは非常に多くなっています。絞り込み検索機能によって「生物種」「実験種(シーケンス・アプリケーション)」「シーケンサの種類」を指定することでデータを絞り込みながら検索することができます。該当データの数がグラフになって示されるため、効率よく検索を進めることができます。
- ・ 高速な全文検索
配列データと共に登録されるメタデータ(実験やサンプルについて記述)だけでなく、登録されたデータが元になって発表された論文の内容に対しても全文検索を行うことができます。遺伝子名や試薬の名前などのキーワードも、論文に記述されていれば対応するデータを見つけられることができるようになりました。
- ・ 配列のクオリティ情報や API による自動化対応も
クオリティの低いデータは使えないばかりでなくダウンロードや処理の時間がかかってしまうため、配列個別のクオリティデータを計算して公開しています。さらに、大量のデータを効率よく検索・ダウンロードするための API も公開しています。

○ 利用例

- ・ 自身の研究に公共 NGS データを利用する際のデータの検索、検討。
- ・ NGS を利用した先行研究についての調査、リファレンスとしての利用。

○ 今後の開発予定

- ・ 新しい機能の追加や、よりインタラクティブなインターフェースへの改良を予定しています。
- ・ より詳しい使い方は <http://github.com/inutano/soylatte> をご覧ください。

○ ご質問やご意見はこちらまで info@dbcls.rois.ac.jp

(2013 年 11 月現在 ver. 2)