

バイオインフォマティクス推進センター(BIRD)の研究支援事業

生命情報データベースの高度化・標準化

📌 進行中課題

▶ 高度化第Ⅱ期 研究開発課題 (研究開発期間:平成18年~22年度)

代表研究者(所属:採択時)	研究開発課題
稲葉 一男 (筑波大学下田臨海実験センター 教授)	ホヤプロテイン統合データベースの構築
金久 實 (京都大学化学研究所 教授)	ゲノムと環境の統合解析による生命システムの機能解読 (KEGG)
菅原 秀明 (国立遺伝学研究所 教授)	バイオ基幹情報資源の高準化と共用化
高木 利久 (東京大学大学院新領域創成科学研究科 教授)	オントロジーによるパスウェイの高度化および国際標準化 (INOH/パスウェイデータベース)
中村 春木 (大阪大学蛋白質研究所 教授)	蛋白質構造データバンクの国際的な構築と高度化(PDBi)
西岡 孝明 (慶應義塾大学大学院 教授)	メタボロームMSスペクトル統合データベースの開発 (Metabolome-Mass Spectral Database)
森下 真一 (東京大学大学院新領域創成科学研究科 教授)	マルチモーダル統合バイオDB (Multimodal BIODB)

創造的な生物・情報知識融合型の研究開発

📌 進行中課題

▶ 平成18年度採択 新規研究開発課題(研究開発期間:3年間)

代表研究者(所属:採択時)	研究開発課題
石井 信 (奈良先端科学技術大学院大学情報科学研究科 教授)	予測技術を用いた生命システムの同定手法の開発
黒川 颯 (奈良先端科学技術大学院大学情報科学研究科 助教授)	メタゲノムオーソログ遺伝子統合解析システムの開発
榎原 康文 (慶應義塾大学理工学部 教授)	タンパク質化合物相互作用の網羅的予測手法とデータベースの開発
清水 謙多郎 (東京大学大学院農学生命科学研究科 教授)	高精度タンパク質間相互作用予測システムの開発
中井 謙太 (東京大学医科学研究所 教授)	転写制御領域の構築原理解明

- 課題評価: 事前評価

- 募集の概要

▶ 平成17年度採択新規研究開発課題(研究開発期間:3年間)

代表研究者(所属:採択時)	研究開発課題
宮川 剛 (京都大学大学院医学研究科 助教授)	マウスを用いた脳機能表現型データベースの開発
白井 剛 (長浜バイオ大学バイオサイエンス学部 教授)	実践による超分子複合体モデリングシステムの開発
内山 郁夫 (自然科学研究機構基礎生物学研究所 助手)	大規模な比較ゲノム研究を展開するためのワークベンチの構築
大田 元規 (東京工業大学学術国際情報センター 助教授)	タンパク質の構造・機能予測法の開発とヒトゲノム配列への適用
川戸 佳 (東京大学大学院総合文化研究科 教授)	脳スライス中で可視化した神経シナプスの自動解析
塩田 浩平 (京都大学大学院医学研究科 教授)	ヒト胚の形態発生に関する三次元データベース