

統合データベースプロジェクト研究運営委員会(第2回) データベース受け入れの方針案

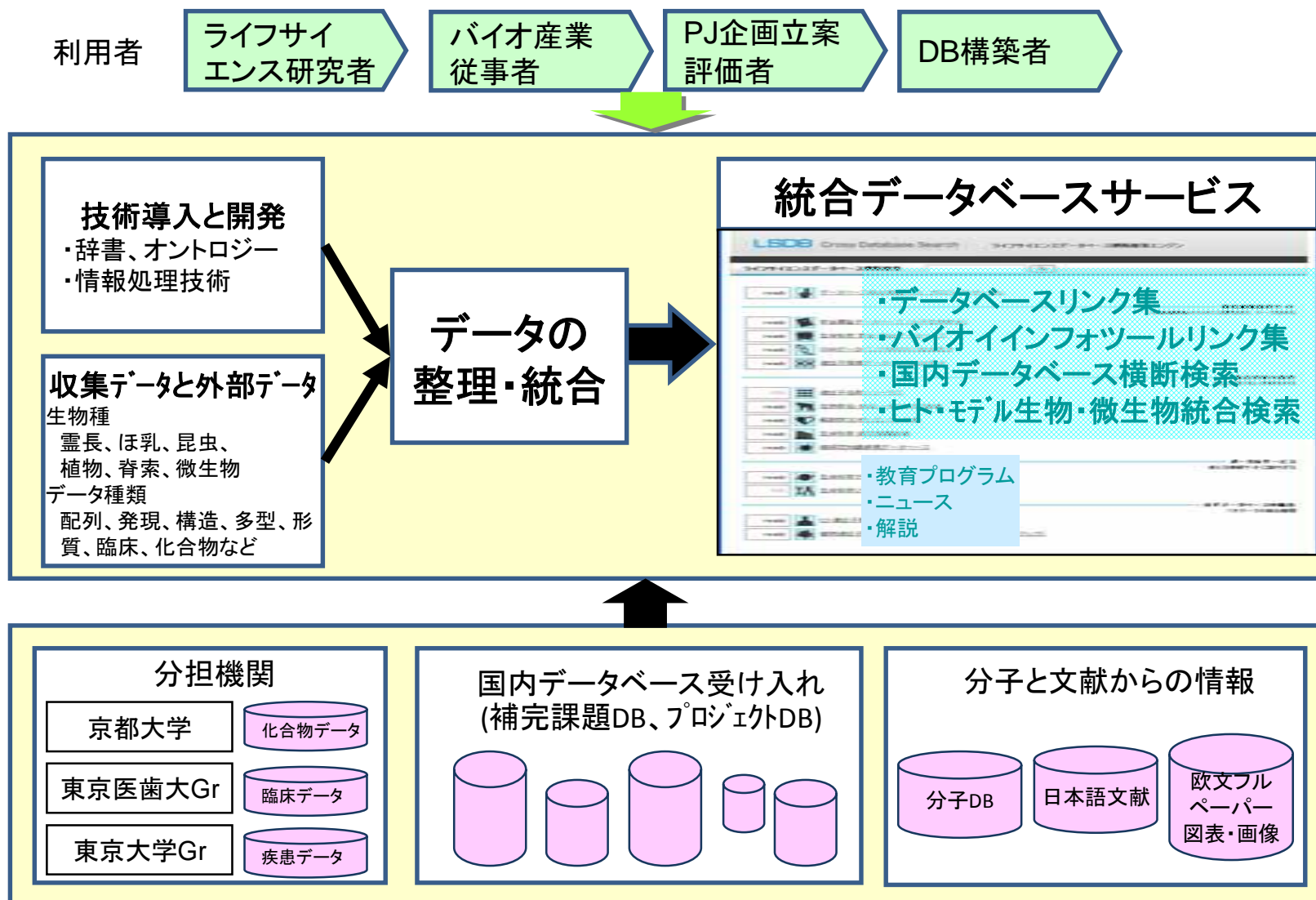
2007年10月5日(金)

ライフサイエンス統合データベースセンター

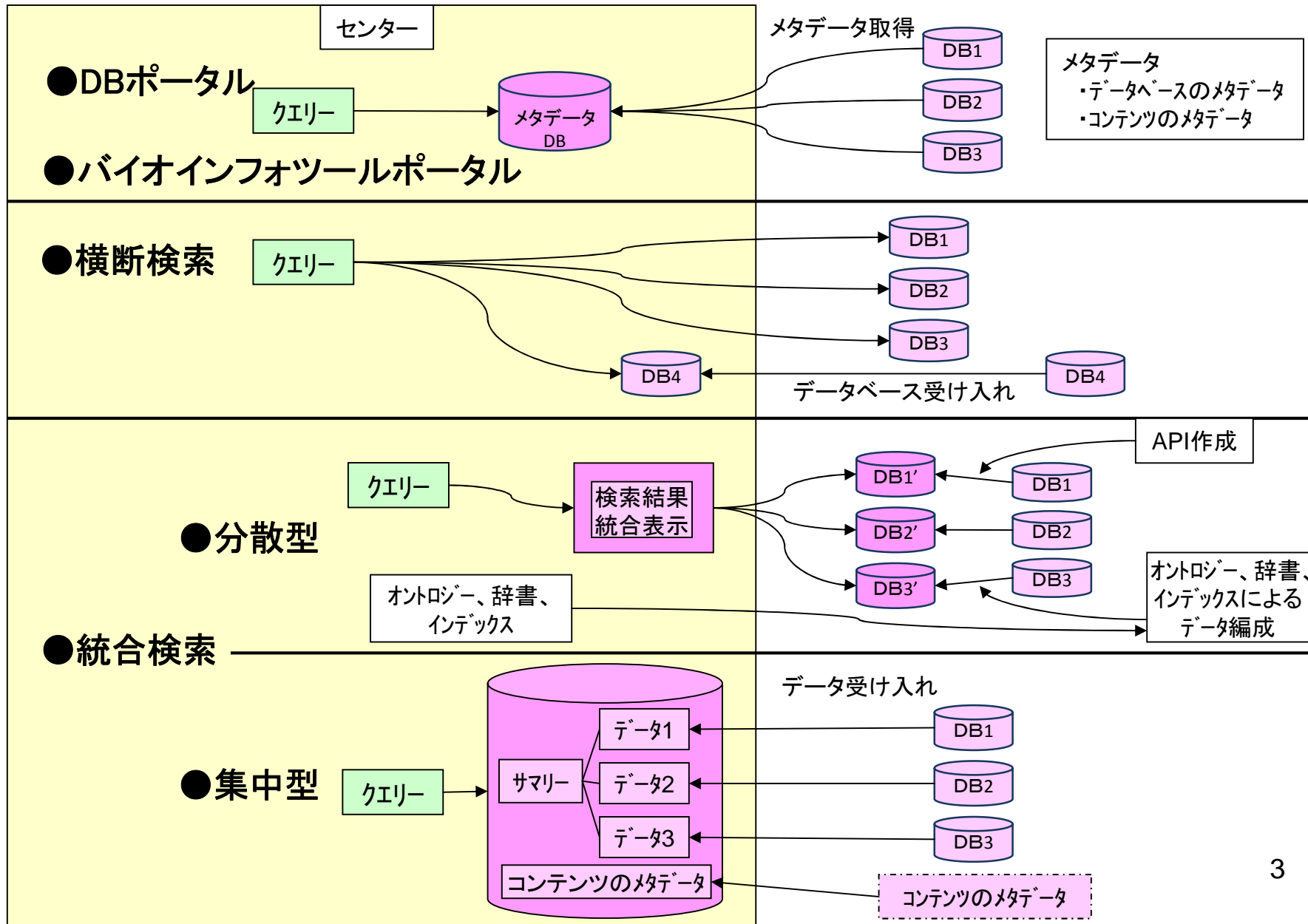
目次

- 1) 統合データベースの概要と国内データベース受け入れ
- 2) データベース検索のタイプと受け入れ
- 3) 対象DB選定の方針
- 4) DBポータル
- 5) 横断検索対象DBの選定
- 6) 統合検索対象DBの選定
- 7) 受け入れ対象DBの選定
- 8) ゲノム・ポストゲノム主要プロジェクト
 - ・ゲノム・ポストゲノム主要プロジェクトの産生データと出口
 - ・ゲノム・ポストゲノム主要プロジェクトの概要
 - ・文部科学省関連大型プロジェクト成果公開とセンターでの受け入れ方針案
- 9) 年次計画

統合データベースの概要と国内データベース受け入れ



データベース検索のタイプと受け入れ



対象DB選定の方針

● DBポータル

- ・DBリストの拡充
- ・メタデータの収集

● 横断検索対象DBの選定

- ・第1段階 国内主要サイト
- ・今後 DBポータルの対象DBを網羅
辞書、オントロジーや整理棚の活用による改善

● 統合検索対象DBの選定

- ・分担機関DB
- ・補完課題DB
- ・独自一次データ(公共DBに登録されていない実験情報)を含むDBを優先

DBポータル

●DBリストの拡充

●内閣府調査によるデータベースリストの現状と問題点

- ・4省庁からのDBリスト等より調査(文科省165、4省庁225、添付資料参照)
- ・各省庁から取得したリストであるため、漏れている可能性もある。
- ・新規に開発されたDBがある。



●漏れている分や、新規DBを同定するために、主要サイトを直接調査して追加した。

- ・理研、ゲム特定領域(新旧)、JST SNPポータル、JBIRC、CBRC、かずさDNA研究所、農業生物資源研究所等のサイト

・旧リスト 文科省165、4省庁225

・新リスト 文科省271、4省庁353 グルーピング後 文科省235、4省庁317



●今後 ー拡充したDBの内容調査の継続

- ・データベースリストの継続的な拡充

●メタデータの収集

●現状 ーデータベースに関するメタデータを収集

●今後 ーコンテンツに関するメタデータを収集

JST担当

横断検索対象DBの選定

●第1段階

- ・国内主要サイト
DDBJ、PDBj、ゲノムネットワーク、FANTOM、
J-SNP、MusBanks、GemDBJ、農業生物資源研究所のDNAバンク、
H-inv、CBRC-DB、かずさ-DB等
- ・辞書、オントロジーや整理棚の活用による、検索結果表示の機能向上プロト

●今後

- ・対象DBの拡充
来年度までに、DBポータルの対象DBを網羅(約300)
- ・機能向上
辞書の活用により、データベース間の相互リンクを改善
既開発辞書を活用
遺伝子辞書、施設名辞書、生物種名辞書、解剖学辞書等
辞書の改良と、新規辞書の開発
オントロジーや整理棚の活用により、検索結果表示の機能向上

統合検索対象DBの選定

● 独自一次データ(公共DBに登録されていない実験情報)を含むDBを優先



● 内閣府調査国内DBリストに基づき、独自一次データを保有するDBを調査

	DB数	独自データ保有DB数		独自データの例(添付資料参照)
● 4省庁DB	225	83	36.7%	
● 遺伝子発現	55	40	72.7%	EST、tagの頻度、ESTアセンブリー、ライブラリー情報、タイピングアレイ実験結果、in-situ hybridization遺伝子発現画像、マイクロアレイデータ等
● DNA、配列	37	19	51.4%	ゲノムアノテーション、EST、マッピング等
● DNA、多型	11	6	54.5%	SNP、アレル頻度、ハプロタイプ頻度、疾患、病態の情報等
● 形態	4	4	100%	発生過程の形態の写真、変異株画像、脳の3D画像等
● 蛋白質	26	3	11.5%	2次元ゲル電気泳動写真
● アノテーション	12	1	8.3%	遺伝子へのアノテーション
● 相互作用	16	0	0%	
● 形態、発現、DNA多型、DNA配列	107	69	64.5%	全独自データ保有DBの83%

● 発現、DNA配列、DNA多型、形態だけでDBの約半数を占め、全独自データ保有DBのうち、83%を占める。

● 発現、DNA配列、DNA多型、形態の分野のDBを、優先的に統合検索対象DBとする。

● 本年度は、遺伝子発現分野のDBを統合検索対象DBとして統合DB構築を試行。

受け入れ対象DBの選定

●横断検索対象DB

候補DBの条件

- ・維持が困難
- ・統合検索の必要性が小さい
- ・著作権上の問題がない

●統合検索対象DB

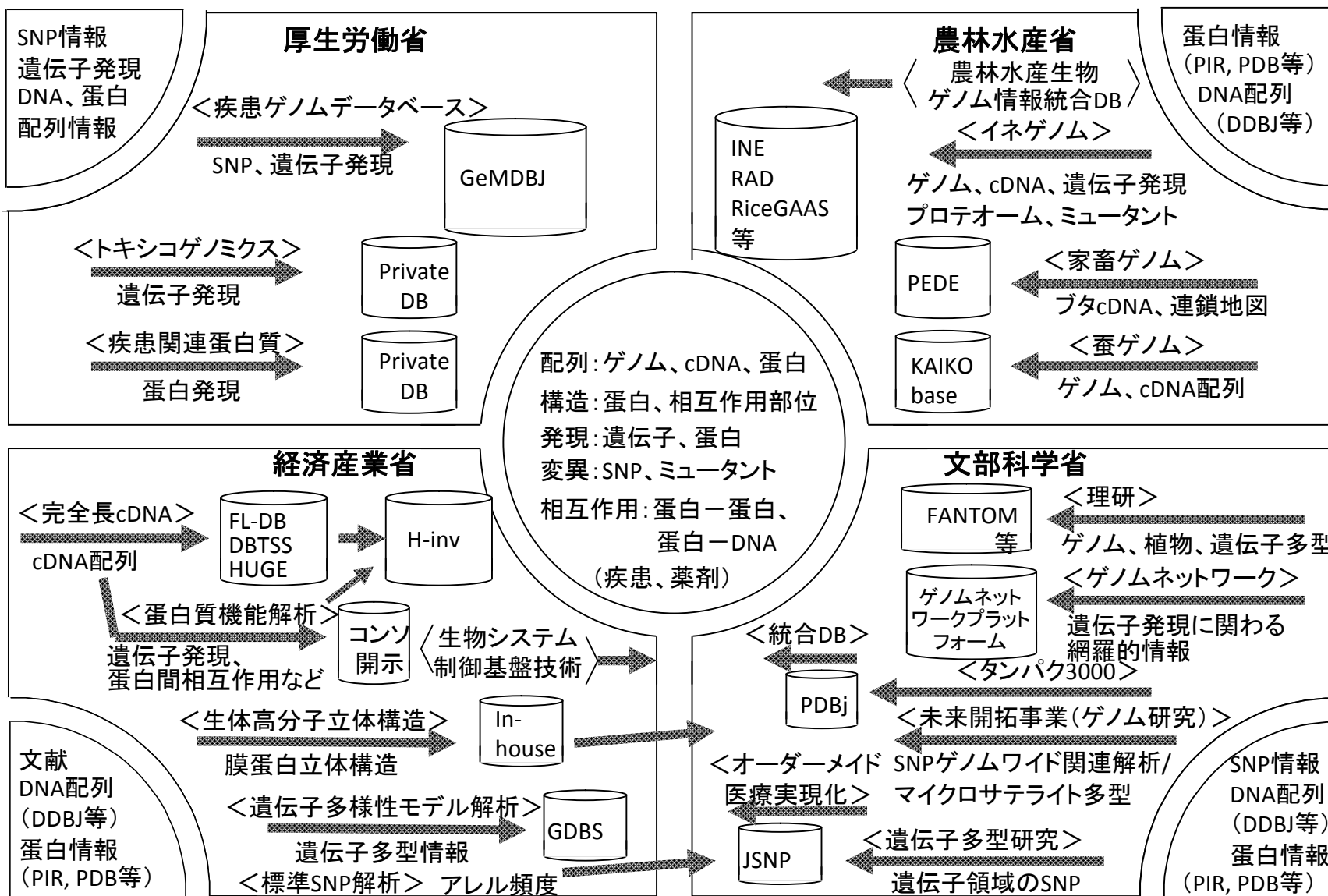
候補DBの条件

- ・独自一次データを有する
- ・統合検索の有効性が大きい
- ・著作権上の問題がない

●アンケートの実施

- ・コンテンツの内容
- ・データベース開発に関わる契約に関して(著作権に関して)
- ・コンテンツ提供の意思
- ・コンテンツ提供に必要な費用

ゲノム・ポストゲノム主要プロジェクトの産生データと出口



(内閣府連携施策群調査研究資料を改変)

ゲノム・ポストゲノム主要プロジェクトの概要

ゲノム・ポストゲノム 主要プロジェクト名	年度							プロジェクトの概要 (内閣府連携施策群 調査研究資料を改変)
	H12	H13	H14	H15	H16	H17	H18	
●文部科学省								遺伝子の発現調節機能に関わる網羅的な解析 主要タンパク質約3000種の基本構造及びその機能解明 体系的遺伝子発現解析、ゲノムワイドSNP解析/ マイクロサテライト多型解析による疾患関連遺伝子解析 ヒトゲノム遺伝子領域中のSNP関連情報の取得と解析 約30万人のSNPと薬剤の効果、副作用などとの関係解明 ヒト、マウス、植物のゲノム、cDNA解析、遺伝子多型解析 生命科学分野の基幹データベースの構築・高度化 生命科学分野DB戦略立案支援、ポータルサイト整備
ゲノムネットワーク								
タンパク3000								
未来開拓事業(ゲノム研究)								
遺伝子多型研究								
テーラーメイド医療実現化								
理研ゲノム、植物、遺伝子多型								
バイオインフォマティクス研究								
統合データベース								国内外の有用なヒトゲノム関連情報、解析ソフトの統合的整備 約3万のヒトの全長cDNA配列情報の取得と解析 創薬支援のためのゲノム、タンパク、化合物一貫解析技術開 発タンパク質及び関連複合体の立体構造・機能解明 完全長cDNAの遺伝子発現頻度など多方面からの機能解析 ヒトのモデル疾患に関わる遺伝子多型情報の取得と解析 日本人集団768人に関するSNP15万種のアレル頻度の解析
●経済産業省								
データベース結合								
ゲノム情報統合								
完全長cDNA								
生物システム制御基盤技術								
生体高分子立体構造								
蛋白質機能解析								
遺伝子多様性モデル解析								がん等5疾患のゲノムワイドなSNP解析などのデータベース化 遺伝子発現解析によるゲノムレベルでの毒性発現機構解明 主要疾患を対象とした疾患関連たんぱく質の探索、同定
●厚生労働省								
疾患ゲノムデータベース								
トキシコゲノミクス								イネゲノム配列の解読および遺伝子の機能解明 ブタのcDNA配列情報、発現頻度、マーカー情報の取得と解析 蚕のゲノム、cDNA配列情報、連鎖地図情報の取得と解析 イネその他農林水産生物統合ゲノムデータベースの整備
疾患関連蛋白質								
●農林水産省								
イネゲノム								
家畜ゲノム								
蚕ゲノム								
農林水産生物ゲノム情報統合DB								

文部科学省関連大型プロジェクト成果公開と センターでの統合化方針案

プロジェクト 名称	期間 総予算 億*	産生データの概要	公開状況	統合化方針案
タンパク3000	H14～H18 (487億円)	・構造解析終了タンパク質数: 4517 (うちPDB登録数: 3923)	<ul style="list-style-type: none"> ・原則はPDBjに登録 (ホームページにて解析したタンパク質のリストを公開) ・タンパク3000成果の加工DB構築予定あり ・後継プロジェクトにて統合的DB構築予定 (解析支援用のため非公開) 	<ul style="list-style-type: none"> ・当面は横断検索の対象 ・統合検索の進め方については、関係者との協議を行い、方針を決定
オーダーメイド医療実現化	H15～H19 (138億円)	<ul style="list-style-type: none"> ・国際HapMapプロジェクトに参加 : 25万か所のSNPデータ提供 ・網羅的な高速SNPタイピング実施 : 47疾患、29億SNPタイピング 	<ul style="list-style-type: none"> ・HapMapデータは公開 ・臨床SNPデータ公開についてはオーダーメイド医療実現化PJ作業部会中間報告書に提言あり <ul style="list-style-type: none"> - 全ゲノム網羅的解析などの適切な情報公開 - 質の評価のための研究者コミュニティとの連携と公開 - raw data公開のためのインフォームドコンセント等の検討 	<ul style="list-style-type: none"> ・関係者と協議のうえ、本プロジェクトで開発予定のデポジトリシステムでの公開を検討
ゲノムネットワーク	H16～H20 (99億円*)	・ゲノム機能情報解析、個別生命機能解析をターゲットに、転写開始点に関するCAGE法解析、転写因子のY2H解析、定量PCR解析、ゲノムタイリングアレイ解析等を実施	<ul style="list-style-type: none"> ・個別研究でホールド、コンソーシアム開示を経てゲノムネットワークプラットフォームで公開 <ul style="list-style-type: none"> - CAGE(human)Tags 19,233,780 - PPI(Y2H)interactions 830 - qRT-PCRgenes 1,911 - Tiling Array(titech)locations 2,357 	<ul style="list-style-type: none"> ・当面は横断検索の対象 ・統合検索の進め方については、関係者との協議を行い、方針を決定

*: H19まで

年次計画

府省連携オール
ジャパン統合DB

	2007年	2008年	2009年	2010年
DBポータル JST メタデータの収集		データベースリストの継続的な拡充 ・拡充したDBの内容調査の継続		
		レポートリ調査(国際標準、既存メタデータ)	レポートリシステムによるメタデータ収集運用	
		レポートリシステム仕様検討	レポートリシステム構築	レポートリシステム機能拡張
横断検索 機能向上 DB受け入れ 受け入れ優先順位付けのための調査 DB受け入れ 統合検索機能の構築		国内主要サイト DBポータルの対象DBを網羅		
		辞書、オントロジーや整理棚の活用による機能改善		
		サーバー一式の受入の試行	受入の運用	
統合検索 補完課題 京大 医科歯科大 東大		DB受け入れアンケート(著作権等の調査)		
		受入の試行 遺伝子発現分野	独自データの割合が多い分野を優先して受入運用	
		受入テンプレートの仕様検討	受入テンプレートの構築	
		オントロジー、辞書、インデックスによるデータ編成、サマリによる整理		
		実験データのアノテーションの実施 センター仕様への変換		
		補完課題データの統合		
		LinkDB、医薬品化合物データバンク構築 統合疾患DB構築 GWAS-DB、リシークエンシングDB、ゲノム多様性DB構築		
		中核・分担機関データの統合		



情報源	名称	開発機関	概要	対象	バンク登録済み 一次データ	独自の一次データ
文科省	FREP	理研	Functional repeats in mouse cDNAs	DNA, モチーフ		
文科省	DBTSS	東大	各種の生物種の遺伝子転写開始点とその上流の転写制御配列に関するデータベース。	DNA, 制御領域	EST は登録済み	転写開始位置
文科省	DBTBS	東大	Bacillus subtilis promoters and transcription factors	DNA, 制御領域		
文科省	TRSIG(翻訳シグナルデータベース)	九工大	植物を対象に mRNA の翻訳レベルでのシグナル配列と機能活性データを集めたデータベース	DNA, 制御領域	調査中	調査中
文科省	D-HaploDB	九大	単一精子由来のヒト胎状奇胎 DNA を用いて約 28 万個の SNP をタイピング、ハプロタイプ等を表示	DNA, 多型		SNP、アレル頻度、ハプロタイプ頻度
文科省	dbQSNP	九大	Quantification of SNP allele frequencies database	DNA, 多型		SNP 付近の配列、アレル頻度
厚労省	疾患ゲノムデータベース (GeMDBJ)	国立がんセンター研究所/ミレニアムゲノムプロジェクト	アルツハイマーなど 5 疾患とファーマコジェネティクスに関わるゲノムワイドな SNP 解析とチップによる遺伝子発現データ	DNA, 多型		SNP 頻度 (SNP 自体は JSNP, MGP で既報のもの)、GeneChip 遺伝子発現、2D-DIGE タンパク質発現、LC-MS/MS タンパク質発現、患者情報
文科省	Polymorphism of Microsatellite Marker Loci in the Japanese Population	九大	遺伝学距離が明確な 4868 マイクロサテライトマーカーの多型度情報	DNA, 多型		マーカーのヘテロ接合度
文科省	GiB-JST mtSNP	JST	ミトコンドリアゲノム多型の相互連鎖、疾患関連、機能的相連に関する総合情報を提供	DNA, 多型		各集団の特徴(パーキンソン病、東京百寿者、肥満若年男性など)、集団ごとの多型頻度
文科省	老人病 SNP データベース	東京都老人医療センター (JST)	老年病に関する臨床および病理所見データと遺伝子多型情報	DNA, 多型		患者の性別、年齢区、病態、多型タイピング結果
経産省	Gene Diversity DataBase System (GDBS)	バイオ産業情報化コンソーシアム(JBIC)	モデル疾患の感受性遺伝子を同定する目的で行なったタイピング実験の結果(遺伝子多型情報)や解析情報、感受性候補領域の詳細情報についてのデータベース	DNA, 多型	調査中	調査中
文科省	Moue Microsatellite Data Base of Japan (MMDBJ)	遺伝研	マウス系統のマイクロサテライトマーカーの多型情報の統合データベース	DNA, 多型		
文科省	JSNP	東大	Japanese SNP database	DNA, 多型	SNP は dbSNP (HGVB) に登録済み	
文科省	dbProP(タンパク質多型データベース : a Protein Polymorphism database)	放射線医学総合研究所	コード領域のアミノ酸変化多型などの情報を提供。	DNA, 多型		
文科省	ヒト疾患関連遺伝子・多型総合データベース	慶応大/ヒト遺伝子疾患変異研究会	ヒトの疾患と関連する遺伝子変異・遺伝子多型に関する統合データベース	DNA, 多型	調査中	調査中
経産省	CyanoBase	かずさDNA研究所	ラン藻 Synechocystis sp. strain PCC 6803, Anabaena sp. PCC 7120, Thermosynechococcus elongatus BP-1 ならびに光合成細菌 Chlorobium tepidum TLS のゲノムデータベース	DNA, 配列	ゲノム、プラスミド配列は登録済み	2D-PAGE プロテオーム、N 末アミノ酸配列、変異株、ゲノムアノテーション
経産省	a genome database of microorganisms sequenced at NITE. (DOGAN)	製品評価技術基盤機構/産業技術総合研究所	NITE でゲノム解析した微生物とそのゲノムの特徴を公開している。塩基配列データや、遺伝子地図、推定遺伝子領域などの情報。	DNA, 配列	ゲノム配列は登録済み	2D-PAGE プロテオーム、ゲノムアノテーション
文科省	Full-Malaria	東大	Full-length cDNA library from erythrocytic-stage Plasmodium falciparum	DNA, 配列		cDNA 配列は登録されていない模様、ドラフトゲノムへの EST マップあり
農水省	Integrated Rice Genome Explorer (INE)	農業生物資源研究所	イネの遺伝地図、物理地図、遺伝子発現地図及び配列情報を統合したデータベース	DNA, 配列	PAC/BAC クローニング、EST、PCR マーカー配列は公開済み	EST、BAC/PAC コンティグのゲノムへのマップ

経産省	Database of genomes and transcriptional regulations for filamentous fungi		酒・味噌・醤油など 発酵・醸造工業に広く用いられている麹菌 Aspergillus oryzae 塩基配列および発現制御などの情報をデータベース化。	DNA, 配列		EST 配列
厚労省	Mycoplasma penetrans genome	国立感染研	Mycoplasma penetrans ゲノムの全塩基配列データと解析結果	DNA, 配列	配列は登録済み	アノテーション(遺伝子予測)
文科省	Silver	遺伝研	類人猿ゲノム配列データベース	DNA, 配列	独自データは登録済み、そのほかには DBJ 由来データ	遺伝子ツリー
経産省	ARCHAebacterial Information Collection (ARCHAIC)	産業技術総合研究所	ARCHAIC(古細菌情報コレクション)、古細菌ゲノム DNA 配列	DNA, 配列	ゲノム配列は登録済み	ゲノムアノテーション
経産省	RhizoBase	かずさDNA研究所	根粒菌 Mesorhizobium loti MAFF303099, Bradyrhizobium japonicum USDA110, Sinorhizobium meliloti 1021 ならびに Rhizobium sp. NGR234 symbiotic plasmid, M. loti R7A symbiosis island のゲノムデータベース	DNA, 配列	ゲノム、プラスミド配列は登録済み	ゲノムアノテーション
文科省	Streptomyces avermitilis ゲノムデータベース	北里大	駆虫薬エバーメクチンを生産する工業微生物 Streptomyces avermitilis のゲノム配列データベース	DNA, 配列	ゲノム、プラスミド配列は登録済み	ゲノムアノテーション
文科省	極限環境微生物 DB (Extremo Base)	海洋開発研究機構極限環境生物圏研究センター	極限環境微生物の遺伝子情報の DB; 全ゲノム配列 2	DNA, 配列	ゲノム配列は登録済み	ゲノムアノテーション
文科省	Escherichia coli O157:H7 Sakai	阪大	腸管出血性大腸菌 O157 のゲノム統合データベース。	DNA, 配列	ゲノム、プラスミド配列は登録済み	ゲノムアノテーション
文科省	腸炎ビブリオゲノム配列データベース	阪大	腸炎ビブリオの全ゲノム配列情報のデータベース	DNA, 配列	ゲノム、プラスミド配列は登録済み	ゲノムアノテーション
文科省	Nocardia farcinica ゲノムデータベース	国立感染研	病原性放線菌 Nocardia farcinica IFM 10152 株のゲノム配列データベース	DNA, 配列	ゲノム、プラスミド配列は登録済み	ゲノムアノテーション
文科省	Full-Toxoplasma	東大	ヒトに寄生するトキソプラズマ (Toxoplasma gondii) の全長 cDNA データベース	DNA, 配列	全長 cDNA は登録済みの模様だが、アクセッション番号の記述なし	ドラフトゲノムへの EST マップ
文科省	EGTC	熊本大	登録しているほとんどすべての ES 細胞からキメラマウスを作製し、マウスラインを樹立しています。	DNA, 配列	タグ配列は登録済み	遺伝子導入/破壊系統の一覧
経産省	Lotus japonicus Genome Sequence Project	かずさDNA研究所	マメ科モデル植物ミヤコグサ Lotus japonicus のゲノム塩基配列解析情報	DNA, 配列	TAC 配列、葉緑体配列は登録済み	染色体遺伝子マップ、TAC クローンのアノテーション
経産省	HUGE	かずさDNA研究所	ヒト長鎖 cDNA (KIAA cDNA) 解析情報データベース	DNA, 配列	配列は登録済み	配列に対するアノテーション
経産省	ROUGE	かずさDNA研究所	マウス長鎖 cDNA (mKIAA cDNA) 解析情報データベース	DNA, 配列	配列は登録済み	配列に対するアノテーション
厚労省	HIV 感染症統合データベース(HIV-DB)	国立感染研	HIV に関するクリニカルデータとウイルスデータを統合化	DNA, 配列	調査中	調査中
厚労省	Nocardia farcinica genome	国立感染研	Nocardia farcinica ゲノムの全塩基配列データと解析結果	DNA, 配列	調査中	調査中
経産省	Alternative Splicing and Transcription Archives (ASTRA)	産業技術総合研究所	選択的プライシングと転写の基本パターンに関するデータベース	DNA, 配列	調査中	調査中
経産省	Codon Usage Database	かずさDNA研究所	遺伝暗号使用頻度データベース	DNA, 配列		
農水省	PLAnt Cis-acting Regulatory DNA Elements Database (PLACE)	農業生物資源研究所	文献情報から抽出した植物の転写因子結合シス配列データベース	DNA, 配列		

農水省	Rice Mitochondrial Genome Information (RMGI)	農業生物資源研究所	イネミトコンドリアゲノム情報データベース	DNA, 配列	調査中	調査中
文科省	HOWDY	JST	Human organized whole genome database	DNA, 配列		
文科省	Genome Information Broker	遺伝研	DBJ's collection of genome databases	DNA, 配列		
文科省	DBJ - DNA Data Bank of Japan	遺伝研	All known nucleotide and protein sequences	DNA, 配列		
文科省	古代 DNA データベース (Ancient Genome Encyclopedia : AGE)	遺伝研	古代 DNA に関する論文の内容を表示・分類している。	DNA, 配列	調査中	調査中
文科省	Microbial Genome Workbench	遺伝研	ゲノム配列が公開されているバクテリアおよび古細菌を対象とした遺伝子の検索や各種解析ツール	DNA, 配列	調査中	調査中
文科省	ODB	京大	Operon database	DNA, 配列		
文科省	MitoFish (魚類ミトコンドリアデータベース)	東大	魚類のミトコンドリアゲノムデータを収集	DNA, 配列		
文科省	RPG	宮崎大	Ribosomal protein gene database	DNA, 配列	配列は登録済み	
文科省	Cytokine Family cDNA Database (dbCFC)	熊本大	サイトカインの EST を含む cDNA 及び遺伝子、タンパク質に関するレコードの収集	DNA, 配列		
文科省	Hepatitis Virus Database (肝炎ウイルスデータベース)	名古屋市立大	肝炎ウイルスの遺伝子配列等が掲載されている。	DNA, 配列		
文科省	ヒト新規遺伝子候補データベース	理研	ヒト遺伝子発見プログラム DIGIT を使用して発見したヒト新規遺伝子候補のデータベース	DNA, 配列	調査中	調査中
文科省	腸炎ピリオのゲノム情報データベース	宮崎大	腸炎ピリオのゲノム情報データベースであり、種々の検索が可能である。	DNA, 配列	調査中	調査中
文科省	snoOPY	宮崎大	核小体中存在する低分子 non-coding RNA (snoRNA) のデータベース	RNA	調査中	調査中
文科省	CYORF (Cyanobacteria Gene Annotation Database)	京大	らん藻遺伝子の機能アノテーションデータベース	アノテーション	ゲノム配列は登録済み	遺伝子へのアノテーション
経産省	H-Invitational Database	産業技術総合研究所	H-InvDB はヒトの遺伝子と転写産物を対象とした統合データベース、ヒトのすべての転写産物の配列をあらゆる手法で解析	アノテーション	調査中	調査中
経産省	KATANA	かずさDNA研究所	シロイヌナズナ (Arabidopsis thaliana) 遺伝情報統合データベース	アノテーション	調査中	調査中
農水省	Rice Annotation Project DataBase (RAP-DB)	農業生物資源研究所	RAP-DB は主にイネの遺伝子と転写産物を対象とした統合データベース、イネを中心にイネ科作物等の転写産物の配列をあらゆる手法で解析	アノテーション		
農水省	Rice Genome Automated Annotation System (Rice GAAS)	農業生物資源研究所	公的データベースから収集したイネゲノム配列情報に自動で遺伝子領域を推定する解析ツールであり、かつ解析した情報を公開	アノテーション		
農水省	Rice Annotation Database (RAD)	農業生物資源研究所	解読したイネゲノム配列のアノテーションデータベース	アノテーション		
農水省	Kaiko Genome Automated Annotation System (KAIKO GAAS)	農業生物資源研究所	カイコゲノム配列情報に自動で遺伝子領域を推定する解析ツールであり、かつ解析した情報を公開	アノテーション		
文科省	PEC	遺伝研	Profiling of E. coli chromosome	アノテーション		
文科省	RAP-DB	遺伝研	Rice annotation project database	アノテーション	調査中	調査中
文科省	HAL	東大	信頼性の高い遺伝子発見プログラム群を用いて作成したヒトゲノムの網羅的で体系的なアノテーション	アノテーション	調査中	調査中
文科省	FANTOM	理研	Functional annotation of mouse full-length cDNA clones	アノテーション		

文科省	データ統合検索システム (GPS:Genome-Phenome Superhighway)	理研	Forward Genetics、Reverse Genetics、Data Integration 等を連携させた統合システム。	アノテーション	調査中	調査中
文科省	BSORF	ゲノムネット	Bacillus subtilis genome database at Kyoto U.	機能ゲノムデータ	配列は登録済み	破壊実験の結果表ひとつ、マイクロアイ遺伝子発現多数
文科省	UT Genome Browser (Medaka)	東大	メダカゲノムのドラフト配列の公開機械的なアノテーション (EST、遺伝子予測、他種との比較ゲノム)	ゲノムマップ	ゲノム配列は登録済み	BAC クローンマップなど
文科省	GDBJAPAN	JST	ヒト遺伝子地図情報	ゲノムマップ		マップ (遺伝子、RH、FISH、転写産物)、疾患関連遺伝子座
文科省	HGS (Human Genome Sequencing)	JST	ヒトの第 1・3・6・8・9・21・22 染色体データベース。	ゲノムマップ		
文科省	AAindex	ゲノムネット	Physicochemical properties of amino acids	タンパク質、アミノ酸特性		
農水省	Rice Proteome Database	農業生物資源研究所	イネの2次元電気泳動情報を主とするプロテオームデータベース	タンパク質、プロテオーム		2D-PAGE プロテオーム
文科省	ヒト唾液腺腺癌細胞タンパク質の 2 次元電気泳動データベース	岩手医科大	ヒト唾液腺腺癌細胞タンパク質の 2 次元電気泳動データベース	タンパク質、プロテオーム		2次元ゲル電気泳動写真、スポットの同定結果一覧
厚労省	生体内ペプチドのファクトデータベース (PEPTIDOME)	国立循環器病センター/生体内ペプチドファクト DB 作成委員会	生体内ペプチドのファクトデータベースの構築と維持のためのシステム	タンパク質、プロテオーム		ペプチドの電荷、疎水性、分子量
経産省	A Database of Enzyme Catalytic Mechanisms (EzCatDB)	産業技術総合研究所	酵素立体構造情報、文献情報などに基いて、酵素触媒機構を階層的に分類	タンパク質、機能		
文科省	糖鎖抗原データベース (GlycoEpitope)	立命館大/GlycoEpitope Database 作成委員会	糖鎖抗原とそれを認識する抗体の総合的なデータベースであり、糖鎖の化学的データに加えて、その機能研究に関する情報を提示	タンパク質、抗体		
文科省	GENES	京大	遺伝子のアミノ酸配列を蓄積したものの。	タンパク質、配列		
文科省	PRF	PRF (蛋白質研究奨励会)	Protein research foundation database of peptides: sequences, literature and unnatural amino acids	タンパク質、配列		
文科省	PMD	遺伝研	Compilation of protein mutant data	タンパク質、変異		
経産省	7 回膜貫通タンパク質データベース (SEVENS)	産業技術総合研究所	創薬のターゲットとして最も重要な G タンパク質共役型受容体データベース	タンパク質、立体構造		
経産省	タンパク質立体構造データベース (GENIUS II)	産業技術総合研究所	多重媒介配列検索法 (MISS 法) を用いて各生物種ゲノムの全 ORF を構造既知のタンパク質の立体構造に帰属したデータベースシステム	タンパク質、立体構造	調査中	調査中
経産省	代表的タンパク質チェーン決定システム (PDB-REPRDB)	産業技術総合研究所	タンパク質立体構造を配列および構造類似性を考慮して分類し代表タンパク質チェーンを決定するシステム	タンパク質、立体構造		
農水省	Rice Protein Structure Database (RPSD)	農業生物資源研究所	イネタンパク質構造データベース	タンパク質、立体構造	調査中	調査中
文科省	GTOP	遺伝研	Protein fold predictions from genome sequences	タンパク質、立体構造		
文科省	PDBSTR	京大	タンパク質、核酸の立体構造データベース。	タンパク質、立体構造	調査中	調査中
文科省	eF-site	阪大	Electrostatic surface of Functional site: electrostatic potentials and hydrophobic properties of the active sites	タンパク質、立体構造		
文科省	日本蛋白質構造データバンク (PDBj)	阪大	蛋白質および生体高分子の立体構造データベースとそれに関連する二次データベース	タンパク質、立体構造		
文科省	eProtS (タンパク質構造百科辞典)	阪大	タンパク質の構造と機能について解説したものの。	タンパク質、立体構造		
文科省	蛋白質・核酸複合体構造データベース	九工大	蛋白質と核酸の複合体構造を集めたデータベースで、認識モチーフや	タンパク質、立体構造	調査中	調査中

			構造型にしたがって分類			
文科省	3DinSight	九工大	生体分子の構造、機能と物性に関するデータを統合するためのバックボーンデータベース。	タンパク質、立体構造	調査中	調査中
文科省	ProTherm	九工大	Thermodynamic data for wild-type and mutant proteins	タンパク質、立体構造		
文科省	Gallery of Biomolecules	九工大	分子構造の画像データベース。	タンパク質、立体構造	調査中	調査中
文科省	タンパク質水素・水和水データベース	日本原子力研究所	タンパク質水素・水和水データベース	タンパク質、立体構造	構造データはPDBに登録済み	
文科省	Het-PDB Navi	長浜バイオ大	Hetero-atoms in protein structures	タンパク質、立体構造	調査中	調査中
文科省	TMPDB	弘前大	Experimentally-characterized transmembrane topologies	タンパク質、立体構造		
文科省	ProMode	早稲田大	タンパク質立体構造の基準振動解析データベース	タンパク質、立体構造	調査中	調査中
文科省	老化促進モデルマウス(SAM)データベース	信州大	老化促進モデルマウス(SAM)研究協議会作成の老化促進モデルマウス(SAM)データベース	文献	調査中	調査中
文科省	薬物トランスポーター情報統合データベース	東大	トランスポーターに関する統合的なデータベース	薬物		
文科省	脳形成遺伝子発現 DB	理研	小脳形成における遺伝子発現の時間的情報のDB	遺伝子発現	(2001)は GEO 登録済み	(2005)GeneChip 遺伝子発現データ
経産省	Archaeal Gene Network (Arch GeNet)	産業技術総合研究所	古細菌 Thermoplasma volcanium GSS1 の遺伝子発現プロファイル	遺伝子発現		2D ゲル画像と同定されたスポットの一覧、マイクロアレイスポット画像と定量化された値の一覧
文科省	BodyMap	東大	Human and mouse gene expression data	遺伝子発現	3' EST の一部は登録済み	3' EST、組織、細胞の種類ごとの頻度
経産省	ミヤコグサ EST Index	かずさDNA研究所	ミヤコグサ(Lotus japonicus)EST 解析情報データベース	遺伝子発現	EST は登録済み	3' EST のコンセンサス配列とアノテーション
文科省	Brain Gene Expression Database (BGED)	奈良先端大	アダプター付加融合 PCR 法で測定したマウス脳の遺伝子発現プロファイルデータベース。	遺伝子発現		ATAC-POR 遺伝子発現
文科省	CAGE	理研	CAGE tags for cap-analysis of gene expression	遺伝子発現		CAGE 遺伝子発現/転写開始位置
文科省	PHYSCObase	基生研	モデル植物にメツリガネコグサについてのプロトコール集、完全長 cDNA および EST クローンの塩基配列解析結果	遺伝子発現	EST は登録済み	EST アセンブルコンティグ
文科省	Cricket EST DB and Expression DB	徳島大	コオロギの胚発生、器官形成・再生に関する EST および時空間発現データベース	遺伝子発現	EST は登録済み	EST クラスタリング結果
経産省	クラミドモナス ESI Index	かずさDNA研究所	クラミドモナス(Chlamydomonas reinhardtii)EST 解析情報データベース	遺伝子発現	EST は登録済み	EST コンティグ、コンティグに対するアノテーション
文科省	MAGEST	ゲノムネット	脊索動物尾索類であるマボヤの EST データベース。	遺伝子発現	配列は登録済み	EST に対応する遺伝子の発現位置/ステージ、EST クラスタリング結果
文科省	HarvEST	岡山大	本領域で作成した約 93,000 のデータを quality file に基づいて整理し直して登録した。	遺伝子発現	岡山大由来の EST 配列は登録済み、他は未確認	EST のアセンブルコンティグ
経産省	シロイヌナズナ EST Index	かずさDNA研究所	シロイヌナズナ(Arabidopsis thaliana)EST 解析情報データベース	遺伝子発現	EST は登録済み	EST のアノテーション
経産省	スサビノリ EST Index	かずさDNA研究所	スサビノリ(Porphyr ayezoensis)EST 解析情報データベース	遺伝子発現	EST は登録済み	EST のアノテーション
文科省	Transcription Analysis of BY-2	理研	タバコ培養細胞 BY-2 株由来 cDNA 断片の配列情報とそのホモロジー検索結果	遺伝子発現	EST は登録済み	EST のアノテーション、クラスタリング結果
文科省	BED (Brain EST Database)	奈良先端大	小規模のマウス脳3'末端 EST のデータベース。BLAST、FASTA など簡単な検索機能がある。	遺伝子発現		EST 配列
文科省	LeEST データベース	島根大	シイタケの EST データベース。	遺伝子発現		EST 配列

農水省	Knowledge-Oriented Molecular Biological Encyclopedia (KOME)	農業生物資源研究所					現	
文科省	barley EST database	岡山大	当研究で開発された約9万3千の EST 配列について配列情報および blast 検索が可能なデータベース	遺伝子発現			EST 配列は登録済み	Germplasm リソース一覧、種子および出芽の画像
文科省	カタウレイボヤ EST プロジェクトホームページ	高知大	カタウレイボヤゲノムプロジェクトコンソーシアムが行った EST 解析と網羅的 in situ 解析の結果	遺伝子発現			EST は登録済み	in-situ hybridization 遺伝子発現画像、そのテキスト記述、EST クラスタリング結果
文科省	Atlas (ISH Data Base)	筑波大	Dictyostelium discoideum cDNA クローンの Whole-mount in situ hybridization での空間的遺伝子発現情報	遺伝子発現			EST は登録済み	WISH 遺伝子発現(画像)
文科省	XDB	基生研	ツメガエルの EST 解析データベース。神経胚、尾芽胚より約7万 EST を収集。	遺伝子発現			EST は登録済み	WISH 遺伝子発現(画像)、EST アセンブルコンティグ
文科省	GETDB - Gal4 Enhancer Trap Insertion Database -	理研	ショウジョウバエにおいて Gal4-UAS 法に基づくエンハンサートラップシステムを NP コンソーシアムとして約4600 の挿入システムを作成し、すべてを検定。	遺伝子発現				エンハンサートラップ挿入システム、挿入位置のマップ、in-situ hybridization による遺伝子発現
農水省	RGP Rice cDNA Sequence Database	農業生物資源研究所		遺伝子発現			EST は登録済み	クラスタリング結果
農水省	Pig EST Data Explorer (PEDE)	農業生物資源研究所		遺伝子発現			EST は登録済み	全長 cDNA は未登録の模様、EST アセンブルコンティグ、そのアノテーション(BLASTX、GO)
文科省	ARTADEdb	理研	Arabidopsis tiling-array-based detection of exons	遺伝子発現			cDNA 配列は登録済み	タイピングアレイ実験結果(染色体に沿った発現の有無)
文科省	BloodSAGE	東大	ヒト血液系発現頻度プロファイル	遺伝子発現				タグ配列と頻度
文科省	遺伝子発現プロファイル	東大	SAGE 法による遺伝子発現プロファイル	遺伝子発現				タグ配列と頻度、細胞間のタグ頻度比較
文科省	5'SAGE	東大	5'-end serial analysis of gene expression	遺伝子発現				タグ配列と頻度、対応する遺伝子、染色体
文科省	The NAISTrap database or NAISTrap データベース	奈良先端大	マウス ES 細胞中の遺伝子をレトロウイルス型ベクターによってランダムにトラップして得た ES 細胞	遺伝子発現				トラップされた遺伝子のタグ配列(バンク未登録)
文科省	PFQWEB、トランスポゾン挿入変異体データベース	理研	シロイヌナズナのトランスポゾン挿入変異体約 12,000 ラインの挿入位置情報や近傍遺伝子を公開	遺伝子発現				トランスポゾン変異株
文科省	RARGE、トランスポゾン挿入変異体データベース	理研	シロイヌナズナのトランスポゾン挿入変異体約 12,000 ラインの挿入位置情報や近傍遺伝子を検索	遺伝子発現				トランスポゾン変異株
経産省	Mouse DNA Microarray	かずさDNA研究所	マウス DNA マイクロアレイ 解析情報データベース	遺伝子発現				マイクロアレイデータ
文科省	Microarray analysis of embryonic retinoic acid target genes in the ascidian Ciona intestinalis	高知大	カタウレイボヤ EST 解析に用いた 9287 クローンの cDNA を載せたマイクロアレイを用いた発現解析結果	遺伝子発現				マイクロアレイデータはバンク未登録、in-situ hybridization 遺伝子発現画像
農水省	Rice Expression Database (RED)	農業生物資源研究所		遺伝子発現			Platform は GEO に登録済み (GPL1245)	マイクロアレイデータは未登録の模様
経産省	MiBASE	かずさDNA研究所	雑性トマト品種マイクロトムの EST、Unigene、マーカー、GO などのデータベース	遺伝子発現			EST は登録済み	マイクロアレイ遺伝子発現、独自 UNIGENE クラスタとそのアノテーション
農水省	KAIKO cDNA	農業生物資源研究所		遺伝子発現			EST は登録済み	ライブラリ情報、アノテーション(BLASTX)
経産省	CREAT portal	かずさDNA研究所	InGaP.mK1AA 抗体及び mK1AA cDNA マイクロアレイ解析情報 データベース、InCeP.K1AA/mK1AA 遺伝子が関連するパスウェイデータベース	遺伝子発現			マイクロアレイデータは GEO 登録済み	遺伝子 ectopic expression 画像、タンパク質発現画像、タンパク質相互作用
文科省	線虫の生殖腺関連遺伝子の RNAi 結果	東大	線虫の生殖腺特異的発現 168 遺伝子を対象に RNAi 法を用いて機能阻害を行った結果を記載	遺伝子発現				遺伝子ごとの RNAi 表現型

文科省	SBM データベース (Systems Biology and Medicine Database)	東大	ヒトの包括的な遺伝子発現データベース。	遺伝子発現		遺伝子発現は(おそらく)未登録
文科省	RAFL cDNAs	理研	シロイヌナズナの完全長 cDNA 情報のデータベース。	遺伝子発現	配列は登録済み	配列に対する BLASTX アノテーション
厚労省	カニクイザル cDNA データベース (Qibase)	医薬基盤研究所生物資源研究部遺伝子資源研究室	カニクイザルオリゴキャップクローンの5'端 63,000 配列、3'端 22,000 配列、全長 4,500 配列	遺伝子発現	配列は多くが登録済みだが一部未登録のものがある	
厚労省	チンパンジー cDNA データベース (PRIGEN)	医薬基盤研究所生物資源研究部遺伝子資源研究室	チンパンジーオリゴキャップクローンの5'端 cDNA 15,000 シーケンス	遺伝子発現	配列は登録済み (EST は一部のみ)	
農水省	Rice Microarray Opening Site (RMOS)	農業生物資源研究所	イネマイクロアレイデータベース	遺伝子発現	調査中	調査中
文科省	BodyMap-Xs	遺伝研	A database for cross-species comparison of vertebrate gene expression	遺伝子発現		
文科省	CIBEX	遺伝研	マイクロアレイデータを中心とする遺伝子発現データベース	遺伝子発現		
文科省	EXPRESSION	京大	マイクロアレイによる遺伝子発現情報のデータベース。	遺伝子発現		
文科省	Medaka EST database	東大	EST データ、迅速変異マッピングシステム、オリゴチップ Medaka Microarray 8K に関する情報を提供	遺伝子発現	EST は登録済み	
文科省	SilkBase	東大	カイコ Bombyx mori (鱗翅目カイコガ科の昆虫) の EST データベース。今のところ約 30,000 個の cDNA の 5' 端塩基配列が登録されている。三田和英博士 (農業生物資源研) ほかとの共同研究により作成した。	遺伝子発現	EST は登録済み	
文科省	カイコ完全長 cDNA データベース	東大	カイコの完全長 cDNA 配列データベース	遺伝子発現	EST は登録済み	
文科省	EICO DB	理研	Expression-based imprint candidate organiser: a database for discovery of novel imprinted genes	遺伝子発現		
文科省	MAEDA (Micro Array Expression DAta search)	理研	シロイヌナズナの遺伝子発現データベース。	遺伝子発現	GEO に登録されている模様 GEO:GSE4203, GPL3181	
文科省	シロイヌナズナ完全長 cDNA クローンカタログ	理研	シロイヌナズナの完全長 cDNA クローンのカタログ。	遺伝子発現		
文科省	ヒメツリガネゴケ完全長 cDNA クローンカタログ	理研	ヒメツリガネゴケの完全長 cDNA クローンのカタログ。	遺伝子発現	EST 配列は登録済み	
文科省	Transcriptome analysis of 2 component system in Escherichia coli	名古屋大	大腸菌 2 成分制御系の欠失変異株における遺伝子発現プロファイルのマイクロアレイ解析データ。	遺伝子発現	調査中	調査中
文科省	Chick Eye EST DB and Expression DB	徳島大	ニワトリの眼の発生に着目した EST および発現データベース	遺伝子発現	調査中	調査中
経産省	Brain Atlas Database of Japanese Monkey for WWW	産業技術総合研究所	脳画像データベース。ニホンザルの脳の画像をデジタル化して公開。高次機能を調べるうえで重要な脳皮質全体を含む組織標本の連続切片データベース。マウス操作のみで簡単に参照可能。	形態		3D 画像 (Voxel データ)
文科省	ABA	遺伝研	Ascidian body atlas: digital 3D model of ascidian development	形態		ホヤ発生過程の形態の写真
経産省	Rat Brain Sections: Super-fine images	産業技術総合研究所、(株)映像美術院、(株)PFU	ラットの脳断面画像。現バージョンでは 7 枚の脳断面画像を公開。	形態		画像
文科省	SCMD	東大	Saccharomyces cerevisiae morphological database: micrographs of budding yeast mutants	形態		野生型および変異株の写真、その特微量 (軸長、出芽角度など)
文科省	メタボロームと生体活性脂質データベース	御茶ノ水大学/日本脂質生化学会	脂質の物理化学的性質、生体活性、メタボリズム、遺伝情報を構造式、スペクトルデータなども含めて表示	脂質		

経産省	Transcription Product Database (TraP)	産業技術総合研究所	古細菌の生成・代謝経路に関わる遺伝子産物データベース	相互作用	調査中	調査中
文科省	KEGG Pathway	ゲノムネット	Metabolic and regulatory pathways in complete genomes	相互作用		
文科省	BRITE	ゲノムネット	Biomolecular relations in information transmission and expression, part of KEGG	相互作用		
文科省	LIGAND	ゲノムネット	Chemical compounds and reactions in biological pathways	相互作用		
文科省	KEGG	ゲノムネット	Kyoto encyclopedia of genes and genomes: databases on genes, proteins, and metabolic pathways	相互作用		
文科省	GLIDA	京大	G-protein coupled receptors ligand database	相互作用		
文科省	DBTGR	東大	A database of tunicate (Ciona) gene regulation	相互作用		
文科省	Kinase Pathway Database	東大	ゲノム配列が決定された主な真核生物のキナーゼに関する統合データベース。	相互作用		
文科省	PRIME (PRotein interaction and Molecular information databasE)	東大	ゲノム配列が決定された主な真核生物のキナーゼに関する統合データベース。	相互作用	調査中	調査中
文科省	INOH pathway database	東大	グラフ表現とオントロジーアノテーションにより、高付加価値情報を文献から抽出したモデル生物のパスウェイデータベース	相互作用	調査中	調査中
文科省	生体分子・リガンド相互作用データベース、ProLINT	九工大	生体分子とリガンドの相互作用に関する定量的な実験データを文献から集めたデータベース。	相互作用		
文科省	アミノ酸・塩基相互作用データベース	九工大	アミノ酸と塩基の特異的相互作用を検索するためのデータベース	相互作用	調査中	調査中
文科省	ProNIT	九工大	Thermodynamic data on protein-nucleic acid interactions	相互作用		
文科省	The Signaling PAtchway Database (SPAD)	九大	シグナル伝達のパスウェイを可視化している。	相互作用		
文科省	Cytokine Signaling Pathway Database (サイトカインシグナル伝達経路データベース)	熊本大	サイトカインシグナル経路に関するデータベース。	相互作用		
文科省	Genomic Object Net Pathway Database	山口大	ハイブリッド関数ベトリネットを用いてこれまでに作成した生命パスウェイを掲載している。	相互作用	調査中	調査中
文科省	GALAXY	名古屋市立大	GALAXY は N 型糖鎖の構造解析を支援する WEB アプリケーションである。	糖		糖鎖の構造 (糖残基のつながり方)
文科省	Glycan	ゲノムネット	Carbohydrate database, part of the KEGG system	糖		
文科省	MBGD	ゲノムネット	Microbial genome database for comparative analysis	比較ゲノム		
文科省	SSDB (Sequence Similarity Database)	京大	遺伝子間の関連を示すジーンユニバースデータベース。	比較ゲノム		
文科省	ライフサイエンス辞書	京大	広範な生命科学 (ライフサイエンス) の学問領域で使われる専門用語、対訳、用法、各種の統計情報を分析、収集し、辞書、ツールを作成	文献		
文科省	GENA (Gene Name Dictionary)	東大	遺伝子と遺伝子産物の正式名、シンボル (記号)、同義語を容易に見つけることができるデータベース。	文献	調査中	調査中
文科省	FACTS	理研	遺伝子に、文献情報をマッピングしたデータベース。	文献		
農水省	Rice Tos17 Insertion Mutant Database	農業生物資源研究所	レトロトランスポゾンによる遺伝子破壊系統のデータベース。表現型情報と挿入領域情報を公開。	トランスポゾン隣接配列		トランスポゾン変異株
文科省	GenoBase	奈良先端大	E. coli genome database at Nara Institute	ゲノム配列は登録済み		マイクロアレイ遺伝子発現、2D-PAGE プロテオーム、タンパク質局在

文科省	RARGE	理研	RIKEN Arabidopsis genome encyclopedia: cDNAs, mutants and microarray data	cDNA 配列は登録済み	マイクロアレイ遺伝子発現、トランスポゾン変異株		
文科省	CGH データベース	東京医歯大	各種癌αゲノム異常の網羅的解析DB		染色体上の異常の位置と種類を表す絵(細胞ごと)		
文科省	シロイヌナズナアクトベーションタングラインデータベース	理研	シロイヌナズナアクトベーションタングラインで、T1世代で表現形のみでラインからタグ挿入近傍の遺伝子を予測		変異株の表現型の記述と写真		
厚生省	病原真菌データベース	病原真菌データベース運営委員会/帝京大学真菌研究センター	真菌菌種リスト(塩基配列による菌種分類など)および真菌症リストなど	調査中	調査中		
経産省	Database for Genetic Engineering of Microalgae	産業技術総合研究所	微生物藻類の遺伝子組み換えに役に立つ情報をデータベース化。ホストベクター系、遺伝子導入法、有用物質の生産、インヒビター耐性変異株、合成トランスポゾン系、選択マーカー	調査中	調査中		
経産省	微生物データベースシステム (MRCD)	産業技術総合研究所	微生物データベース。微生物のキーワード検索が可能。	調査中	調査中		
経産省	NBRC Culture Catalogue	製品評価技術基盤機構	NBRC で保存している生物遺伝資源のデータベース。NITE で分譲している微生物株を、学名で検索したり、微生物株の詳細な情報を得ることができる。	調査中	調査中		
経産省	Distribution of Full-length Human cDNA Clones	製品評価技術基盤機構	NITE で分譲しているヒト完全長cDNA クローンを DDBJ Accession 番号や配列で検索ができる	調査中	調査中		
経産省	標準 SNPs 解析事業	東京大学医科学研究所、バイオ産業情報化コンソーシアム、製品評価技術基盤機構	日本人一般集団786人を対象に遺伝子型の決定を行い、アレル(対立遺伝子)頻度のデータベースを構築	調査中	調査中		
経産省	完全長 cDNA データベース (FL-DB)	バイオテクノロジー開発技術研究組合	完全長 cDNA 構造解析プロジェクトで解析された新規ヒト遺伝子全長配列および解析結果を統合したデータベース	調査中	調査中		
農水省	Rice PIPELINE	農業生物資源研究所	イネ関連データベースの横断的検索ツール	調査中	調査中		
農水省	Rice Research	農業・食品産業技術総合研究機構	日本のイネを中心に品種、系譜図、特性情報(出穂期、草丈、種子形態等)を網羅的に公開しているデータベース	調査中	調査中		
文科省	病原微生物統合データベース	JUST	病原微生物統合データベース。	調査中	調査中		
文科省	Oryzabase	遺伝研	Rice genetics and genomics				
文科省	DDBJ/CIB ヒトゲノム情報工房	遺伝研	国際 DNA データベースに公開された配列情報を独自の方法で染色体配列を作成し、公開	調査中	調査中		
文科省	実験動物「線虫」変異体データベース	遺伝研	線虫の遺伝子構造を基礎に、線虫変異体を逆遺伝学的に収集・保存・提供を行っている。	調査中	調査中		
文科省	JMSR(Japan Mouse Strain Resources Database)	遺伝研	マウス系統の統合検索システム。	調査中	調査中		
文科省	DBGET	ゲノムネット	広範囲にわたる分子生物学データベースに対する単純なデータベース取得システム。				
文科省	GenomeNet:ゲノムネット	京大	生物学・医学のデータベースと解析ツールが掲載。	調査中	調査中		
文科省	リンク情報データベース LinkDB	京大	様々なプロジェクトで構築されている分子生物学データベース間の関連情報を網羅的に抽出				
文科省	siDirect	東大	siDirect は、ヒトおよびマウスの遺伝子配列を受け取ると、siRNA 配列を短時間で計算するウェブサーバー	調査中	調査中		

文科省	CGED	東大	Cancer gene expression database	調査中	調査中		
文科省	Protein Interaction Prediction Server (PIPS)	東大	配列からタンパク質の相互作用を予測するシステム。	調査中	調査中		
文科省	KEGG DAS	東大	ゲノムが決定された生物種の配列と分散アノテーション(DAS)情報	調査中	調査中		
文科省	GenomeSURF	東大	プライマ、オリゴマ設計のための頻度分布情報	調査中	調査中		
文科省	Gene Resource Locator	東大	Alignment of ESTs with finished human sequence	調査中	調査中		
文科省	Bombyx Mutants Photographs	東大	Silkworm Bombyx mori ESTs, mutants, photographs	調査中	調査中		
文科省	アサガオ ホームページ	九大	モデル植物であるアサガオの突然変異系統情報、突然変異遺伝子リスト、連鎖地図などの情報を収集	調査中	調査中		
文科省	Cancer Gene Expression Database (CGED)	奈良先端大	アダプター付加競合 PCR 法で測定したヒト癌組織の遺伝子発現プロファイルデータベース。	調査中	調査中		
文科省	TATA-less Promoters in Plants	名古屋大	植物核遺伝子の TATA ボックスの有無を解析	調査中	調査中		
文科省	CARD R-BASE	熊本大	マウスの系統、遺伝子、疾患などのデータが記載	調査中	調査中		
文科省	DeinoBase	日本原子力研究所	DNA修復関連タンパク質研究の基礎として Deinococcus radiodurans ゲノムのコンピュータ解析結果	調査中	調査中		
文科省	SayaMatcher	埼玉医科大	転写因子予測結合領域解析パイプライン	調査中	調査中		
文科省	READ	埼玉医科大	Riken Expression Array Database	調査中	調査中		
文科省	FAMSBASE	長浜バイオ大	立体構造データベース。99 生物種のゲノム情報から得られる全 ORF からホモロジーモデリングで構築	調査中	調査中		
文科省	日本ショウジョウバエデータベース (JDD: Japan Drosophila Database)	京都市織大	ショウジョウバエ系統とその特性などを掲載	調査中	調査中		
文科省	統合失調症の脳内遺伝子発現プロファイル	新潟大	放射活性を利用したDNAアレイを利用して、統合失調症の脳3領域における病態遺伝子プロファイルを取得	調査中	調査中		
文科省	免疫組織化学総合データベース	北海道大学病院病理部/ワーキンググループ	免疫組織化学に関わる総合データベースで、この抗体に関わる記述とコラムから構成。	調査中	調査中		
文科省	J*FLY	東大	ショウジョウバエの既知遺伝子のリスト、会報、画像、実験に関するムービー等が掲載されている。				
文科省	病原性大腸菌 O157 ゲノムデータベース	宮崎大	病原性大腸菌 O157 のゲノム情報データベースであり、種々の情報検索や、関連論文の検索が可能	調査中	調査中		
文科省	Dictyostelium cDNA Database (略称 Dicty_cDB)	筑波大	Dictyostelium discoideum cDNA クローンの塩基配列・相同性・モチーフ検索・局在性予測等の情報	調査中	調査中		
文科省	日本人遺伝性疾患家系データベース	琉球大	国内の医学会抄録集から、家系・家族・遺伝をキーワードに収集したデータベース。	調査中	調査中		
文科省	琉球大学遺伝性疾患データベース第9版	琉球大	遺伝子が関与する疾患を奇形症候群を中心にまとめたデータベース。	調査中	調査中		