

委託業務の題目「ライフサイエンス統合データベース開発運用」  
 (統合データベース開発：ワークフロー技術を用いた統合 DB 環境構築)  
 受託機関名 産業技術総合研究所 生命情報工学研究センター

1. 委託事業の9月末時点の判断基準になる目標 (以前にお出しいただいたもの)  
 目標値と内容：ワークフロー技術を用いた統合 DB 環境構築とし、
  - ・ 3つのタンパク質に関連したWEBワークフローを公開
  - ・ C B R Cが独自に開発した解析ツールを用い、5つのアクティブワークフローを公開
  - ・ アクティブワークフロー上で2つ以上の研究機関 (D B C L S等) との連携を行うノードの開発
2. 9月末時点の達成状況
  - ・ タンパク質関連の3つのWEBワークフローを公開
  - ・ SOAP 通信等を用いた8つのアクティブワークフローを公開 (図1. 各解析ノード)
  - ・ DBCLS, DDBj, PDBjのサービスと連携したノードを公開
3. 上記達成状況を踏まえたプロジェクト終了までの目標
  - ・ これまで開発したノードや既存のノードを繋げたケーススタディの公開
  - ・ LINUX や MAC にも対応したノードの開発
4. 成果の概要

(成果の公開画面など成果の具体的内容を以下に収まる範囲でお示し下さい。)

また、上記の2. も含め、蓄積、作成したデータ量やサービスの公開日、アクセス数などの定量的数値情報も記載願います。)

WEBワークフロー (<http://togo.cbrc.jp/web.html>)

- ・ Protein Annotation Workflow (2008年 12月)
- ・ Comparative Protein Information Workflow (2009年 3月)
- ・ Protein Modelling Workflow (2009年 11月)

A c t i v eワークフロー (<http://togo.cbrc.jp/active.html>)

- ・ WolfPSORT Active Workflow (2010年 8月)
- ・ Last Active Workflow (2010年 8月)
- ・ Blast Active Workflow (2010年 8月)
- ・ Mafft Active Workflow (2010年 8月)
- ・ Modelling Active Workflow (2010年 7月)
- ・ CentroidFold Active Workflow (2010年 6月)
- ・ POODLE Active Workflow (2010年 5月)
- ・ ASIAN Active Workflow (2010年 1月)

プラットフォーム (ケーススタディ)

- ・ RNA/ Protein Structure Prediction Workflow (2010年 10月)
- ・ PhylogeneticTree Active Workflow (2010年 9月)

アクセス数：約 1 6 0 /月 月間転送量：126MB (7月) 200MB (8,9月) 760MB (10月)

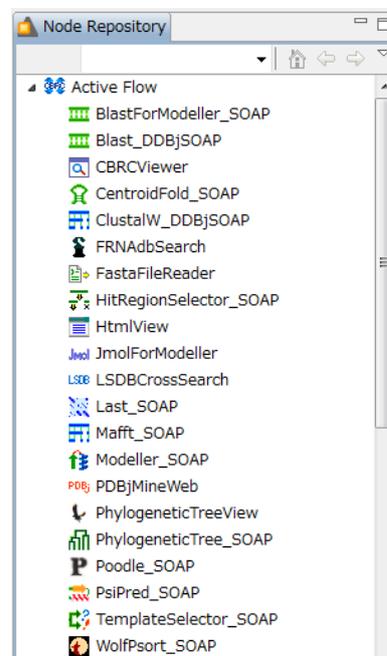


図1. Active ワークフロー  
14 解析ツールの SOAP 化